

Sueli Diniz

**Microbiota presente em abscesso de sola e dermatite
digital em bovinos leiteiros de Minas Gerais.**

Tese apresentada no Programa de Pós-graduação em
Microbiologia do Instituto de Ciência Biológica da
Universidade Federal de Minas Gerais, Como requisito.
Parcial para obtenção do grau de Doutor em Microbiologia.

Orientadora: Dra. Elizabeth Spangler Andrade Moreira

Co-orientadora Dra. Patrícia Silva Cisalpino

Colaboradores: Dr. Antônio Último Carvalho

Dr. Paulo Marcos Ferreira

Dra. Maria Rosa Quaresma Bomfim

Dra. Maria Raquel S. Carvalho

Universidade Federal de Minas Gerais

Instituto de Ciência Biológica

Departamento de Microbiologia

2008

Livros Grátis

<http://www.livrosgratis.com.br>

Milhares de livros grátis para download.

RESUMO

A partir de 9 espécimes clínicos de bovinos acometidos de abscesso de sola, provenientes de três fazendas leiteiras, foi possível a identificação de 108 amostras bacterianas. Dos anaeróbios facultativos, representados por 107 amostras, a família *Enterobacteraceae* foi mais prevalente, representando 75,0% das amostras identificadas. Destacam-se, *Escherichia coli*, que representou 35,2 % do total de amostras identificadas, *Klebsiella oxytoca* (12,1%) e *Enterobacter cloacae* (8,3%). Também foram identificados *Proteus vulgaris*, *Citrobacter freundii*, *Enterobacter agglomerans*, *Enterobacter sakazakii*, *Escherichia fergusonii*, *Klebsiella pneumoniae* e. Dos bacilos Gram-positivo anaeróbios facultativos, destacaram-se os gêneros *Bacillus* spp (9,2%), *Corynebacterium aquaticum* (3,7%) e, com menor frequência, *C. minutissimum*, *Brevibacterium* spp e *Listeria grayi*. Entre os cocos Gram-positivo foi identificado *Enterococcus faecalis* (2,7%) e também foi identificado o bacilo Gram-negativo *Fusobacterium* sp. anaeróbio obrigatório. O perfil de suscetibilidade antimicrobiana foi determinado para 67 amostras bacterianas isoladas dos animais procedentes de 2 fazendas. Das 15 amostras de *E.coli* obtidas de animais da fazenda 2, 12 foram caracterizadas como resistentes para ampicilina/sulbactam e tetraciclina; da fazenda 3, das 25 amostras *E.coli* isoladas 22 foram sensíveis para ampicilina/sulbactam e 14 foram sensíveis para tetraciclina. Também da fazenda 3, das 14 amostras de *K. oxytoca* testadas 8 foram sensíveis para ampicilina/sulbactam e 12 foram sensíveis para tetraciclina; das 9 amostras de *E. cloacae* 8 mostraram-se resistentes a ampicilina/sulbactam e 7 foram sensíveis para a tetraciclina; já as 3 amostras de *E. sakazakii* foram resistentes para ampicilina/sulbactam e sensíveis para tetraciclina. As 3 amostras de *E. faecalis* isoladas foram sensíveis para ampicilina/sulbactam e resistentes para tetraciclina. O DNA extraído de cultura pura de duas amostras de microrganismos espiralados isolados de biópsias de 2 animais, acometidos de dermatite digital, da fazenda 1 foram amplificadas por PCR e obtido um fragmento de 900 pb. As análises dos nucleotídeos dos seqüenciamentos somadas aos resultados obtidos pela construção da árvore filogenética permitem-nos afirmar que os animais pesquisados são portadores de dermatite digital causada por microrganismos de difícil cultivo. Foi encontrada uma similaridade de 99% destas amostras seqüenciadas com microrganismos não cultiváveis, 75% de similaridade para *Treponema denticola*, 70% para *Treponema phagedenis* e 68% para *Treponema pedis*. Também foi feita PCR, utilizando DNAs extraídos de biópsias de 6 animais acometidos de dermatite digital na fazenda 4 e foi amplificado um fragmento de 900pb para estas amostras.

ABSTRACT

From 9 clinical specimens collected from dairy cattle affected by sole abscess, from three distinct farms, it was possible to identify 108 bacterial samples. Among the facultative anaerobes, representing 107 samples, the Enterobacteriaceae family was the most prevalent, representing (75.0%) of the samples identified. Among them, *Escherichia coli* represented (35.2%) of the samples identified, *Klebsiella oxytoca* (12.1%) and *Enterobacter cloacae* (8.3%). *Proteus vulgaris*, *Citrobacter freundii*, *Enterobacter agglomerans*, *Enterobacter sakazakii*, *Escherichia fergusonii*, *Klebsiella pneumoniae*. Of the Gram-positive bacilli facultative anaerobes, it could be highlighted the presence of the genera *Bacillus* spp (9.2%), *Corynebacterium aquaticum* (3.7%) and, less frequently, *C. minutissimum*, *Brevibacterium* spp and *Listeria grayi*. Among the Gram-positive cocci, *Enterococcus faecalis* (2.7%) was identified, were also found. *Fusobacterium* spp was also identified among the Gram-negative bacilli, strict anaerobe. Concerning the profile of antimicrobial susceptibility from 67 samples of animals coming from 2 farms, it was found that 12 out of 15 *E. coli* samples from farm 2 showed to be resistant to ampicillin/sulbactam and tetracycline, while 22 out of 25 samples of *E. coli* from farm 3 were sensitive to ampicillin/sulbactam and 14 out of 25 samples were sensitive to tetracycline. In this farm, it was also seen that 8 out of 14 samples of *K. oxytoca* tested were sensitive to ampicillin/sulbactam and 12 over 14 were sensitive to tetracycline; 8 from 9 samples of *E. cloacae* proved to be resistant to ampicillin/sulbactam and 7 were sensitive to tetracycline; the 3 samples of *E. sakazakii* were resistant to ampicillin/sulbactam and sensitive to tetracycline. The 3 samples of *E. faecalis* from farm 2 and one sample from farm 3 were sensitive to ampicillin/sulbactam and resistant to tetracycline. The DNA extracted from pure cultures of two samples of spirochaetes isolated from biopsies of 2 animals with digital dermatitis, from farm 1, was amplified by PCR and a 900 bp fragment was obtained. The analysis of the nucleotide sequences added to the results obtained by the construction of phylogenetic trees allow us to say that the animals had digital dermatitis caused by microorganisms difficult to cultivate. It was found a similarity of 99% of these sequenced samples with non-cultivable microorganisms, 75% similarity to *Treponema denticola*, 68% - 70% with *Treponema phagedenis* and *Treponema pedis*. PCR was also performed using DNA samples extracted from biopsies of 6 animals affected by digital dermatitis in the farm 4 and a 900bp fragment was also amplified.

Livros Grátis

(<http://www.livrosgratis.com.br>)

Milhares de Livros para Download:

[Baixar livros de Administração](#)

[Baixar livros de Agronomia](#)

[Baixar livros de Arquitetura](#)

[Baixar livros de Artes](#)

[Baixar livros de Astronomia](#)

[Baixar livros de Biologia Geral](#)

[Baixar livros de Ciência da Computação](#)

[Baixar livros de Ciência da Informação](#)

[Baixar livros de Ciência Política](#)

[Baixar livros de Ciências da Saúde](#)

[Baixar livros de Comunicação](#)

[Baixar livros do Conselho Nacional de Educação - CNE](#)

[Baixar livros de Defesa civil](#)

[Baixar livros de Direito](#)

[Baixar livros de Direitos humanos](#)

[Baixar livros de Economia](#)

[Baixar livros de Economia Doméstica](#)

[Baixar livros de Educação](#)

[Baixar livros de Educação - Trânsito](#)

[Baixar livros de Educação Física](#)

[Baixar livros de Engenharia Aeroespacial](#)

[Baixar livros de Farmácia](#)

[Baixar livros de Filosofia](#)

[Baixar livros de Física](#)

[Baixar livros de Geociências](#)

[Baixar livros de Geografia](#)

[Baixar livros de História](#)

[Baixar livros de Línguas](#)

[Baixar livros de Literatura](#)
[Baixar livros de Literatura de Cordel](#)
[Baixar livros de Literatura Infantil](#)
[Baixar livros de Matemática](#)
[Baixar livros de Medicina](#)
[Baixar livros de Medicina Veterinária](#)
[Baixar livros de Meio Ambiente](#)
[Baixar livros de Meteorologia](#)
[Baixar Monografias e TCC](#)
[Baixar livros Multidisciplinar](#)
[Baixar livros de Música](#)
[Baixar livros de Psicologia](#)
[Baixar livros de Química](#)
[Baixar livros de Saúde Coletiva](#)
[Baixar livros de Serviço Social](#)
[Baixar livros de Sociologia](#)
[Baixar livros de Teologia](#)
[Baixar livros de Trabalho](#)
[Baixar livros de Turismo](#)